

# دوره پودمانی داکینگ مولکولی

## معرفی دوره :

از آنجا که drug discovery فرایندی زمانبر (۱۵-۱۰ سال) و پر هزینه (۲ میلیارد دلار) است، شرکت های دارویی و گروه های تحقیقات دانشگاهی تکنیک های مختلف drug discovery را به کمک کامپیوتر جهت کاهش هزینه و زمان به کار می گیرند. یکی از معمول ترین روش های مورد استفاده در روش غربالگری مجازی براساس ساختار، داکینگ است.

عناوین کلی این دوره شامل موارد زیر می باشد :

- ۱) مبانی اولیه داکینگ
- ۲) آماده سازی فایل ورودی ماکرومولکول (پروتئین)
- ۳) تهیه فایل ساختاری لیگاند
- ۴) آموزش Vina و Autodock
- ۵) آموزش استخراج و آنالیز نتایج

## عناوین زیر پودمان های دوره:

طراحی محاسباتی دارو (ویژه دانشجویان تحصیلات تکمیلی)  
طراحی محاسباتی دارو (ویژه هیات علمی و محققین حوزه دارو)

## شیوه ارائه دوره:

آفلاین- در انتهای دوره جلسه رفع اشکال به صورت آنلاین در سامانه نوید برگزار می گردد.

## گروه هدف:

دانشجویان تحصیلات تکمیلی، اعضای هیات علمی و محققین مشغول در زمینه تحقیقات دارویی

## مدت دوره:

۲۰۰ دقیقه شامل ۱۹ محتوا

## **نحوه ارزشیابی دوره:**

انجام پروژه پایان ترم  
برگزاری پیش آزمون و پس آزمون

## **نحوه ارائه گواهی:**

در پایان دوره در صورتی که فراگیر با موفقیت پروژه پایان دوره را با موفقیت انجام دهد گواهی پایان دوره توسط دانشگاه علوم پزشکی مجازی صادر خواهد شد.

## **کمیته علمی دوره پودمانی داکینگ مولکولی:**

دکتر سید شهریار عرب- متخصص بیوانفورماتیک- عضو هیات علمی دانشگاه تربیت مدرس  
دکتر شیما علی ابراهیمی- متخصص بیولوژی سلولی و مولکولی- عضو هیات علمی دانشگاه علوم پزشکی  
مجازی